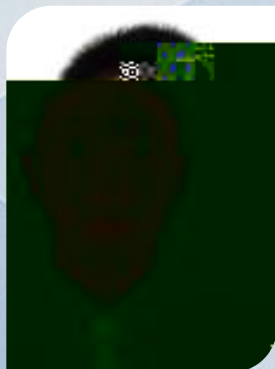




# 系列学术报告 (二十二)

## Inheritance of DNA Methylation at Replication Forks: Four Cytosines, Two Dyads, One CpG



报告人: 晨欢 博士

时间: 10 17日 ( 三 ) 9:00-10:00

地点: 合楼701

持人: 王迪 教授

晨欢博士，2005年本科毕业于上海交通大学，2005-2012年博士研究生就读于美国埃默里大学，2013年至今在美国埃默里大学从事博士后研究工作。表观遗传学领域的精确传递对细胞维持基因组稳定性和功能至关重要。DNA上胞嘧啶的甲基化修饰是不改变DNA序列的前提下，改变遗传信息的表观遗传学机制。然而DNA甲基化维持的动力从未被系统研究过。新生DNA上的甲基化的具体分布丰度没能在全基因组尺度上系统鉴定过。Dr. Xu开发了新生DNA上特异性鉴定甲基化分布的方法 (nasBS-seq)，并首次提出了新生DNA甲基化事件捕获方法，从WGBS数据中捕获单分CpG的甲基化事件，将甲基化状态解构为未甲基化，半甲基化，完全甲基化的。目前第一作者身份在 *Science*, *Nature Protocols*, *Methods Mol Biol* 等国际顶级期刊发表多篇论文。

1. Xu, C. and Corces, V.G. (2018). Nascent DNA methylome mapping reveals inheritance of hemimethylation at CTCF/cohesin sites. *Science*. 359(6380):1166-70.
2. Xu, C. and Corces, V.G. (2018). Deconvolution of DNA methylation sequencing data to single-CpG level using in silico Strand Annealing (iSA). *Nat Protoc*.
3. Xu, C. and Corces, V.G. (2018). Genome-wide mapping of protein-DNA interactions on nascent chromatin. *Methods Mol Biol*. 1766:231-8.